

日 本 国 特 許 庁  
JAPAN PATENT OFFICE

別紙添付の書類に記載されている事項は下記の出願書類に記載されている事項と同一であることを証明する。

This is to certify that the annexed is a true copy of the following application as filed with this Office

出 願 年 月 日  
Date of Application:

2002年 7月 3日

出 願 番 号  
Application Number:

特願2002-194344

[ ST.10/C ]:

[ JP2002-194344 ]

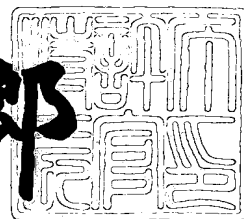
出 願 人  
Applicant(s):

住友化学工業株式会社

2003年 3月28日

特 許 庁 長 官  
Commissioner,  
Japan Patent Office

太田信一郎



出証番号 出証特2003-3021932

【書類名】 特許願

【整理番号】 P154587

【提出日】 平成14年 7月 3日

【あて先】 特許庁長官殿

【国際特許分類】 C12N 9/02  
C12N 15/00  
C12P 7/04

【発明者】

【住所又は居所】 兵庫県宝塚市高司4丁目2番1号 住友化学工業株式会社  
社内

【氏名】 朝子 弘之

【発明者】

【住所又は居所】 兵庫県宝塚市高司4丁目2番1号 住友化学工業株式会社  
社内

【氏名】 清水 将年

【特許出願人】

【識別番号】 000002093

【氏名又は名称】 住友化学工業株式会社

【代理人】

【識別番号】 100093285

【弁理士】

【氏名又は名称】 久保山 隆

【電話番号】 06-6220-3405

【選任した代理人】

【識別番号】 100094477

【弁理士】

【氏名又は名称】 神野 直美

【電話番号】 06-6220-3405

【選任した代理人】

【識別番号】 100113000

【弁理士】

【氏名又は名称】 中山 亨

【電話番号】 06-6220-3405

【選任した代理人】

【識別番号】 100119471

【弁理士】

【氏名又は名称】 榎本 雅之

【電話番号】 06-6220-3405

【手数料の表示】

【予納台帳番号】 010238

【納付金額】 21,000円

【提出物件の目録】

【物件名】 明細書 1

【物件名】 要約書 1

【包括委任状番号】 0109029

【プルーフの要否】 要

【書類名】 明細書

【発明の名称】 改変型還元酵素、その遺伝子及びそれらの利用

【特許請求の範囲】

【請求項 1】

配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 5 4 番目及び 1 0 4 番目のアミノ酸のうち少なくとも 1 個が他のアミノ酸に置換されていること以外には配列番号 1 で示されるアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列を有し、かつ、基質を還元する能力を有することを特徴とする酵素。

【請求項 2】

配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 5 4 番目のアミノ酸が他のアミノ酸に置換されていること以外には配列番号 1 で示されるアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列を有し、かつ、基質を還元する能力を有することを特徴とする酵素。

【請求項 3】

配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 1 0 4 番目のアミノ酸が他のアミノ酸に置換されていること以外には配列番号 1 で示されるアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列を有し、かつ、基質を還元する能力を有することを特徴とする酵素。

【請求項 4】

配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 5 4 番目及び 1 0 4 番目のアミノ酸が、同じ又は異なって、他のアミノ酸に置換されていること以外には配列番号 1 で示されるアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列を有し、かつ、基質を還元する能力を有することを特徴とする酵素。

【請求項 5】

5 4 番目のアミノ酸に代わる他のアミノ酸が、非芳香族アミノ酸であることを特徴とする請求項 2 又は 4 記載の酵素。

【請求項 6】

5 4 番目のアミノ酸に代わる他のアミノ酸が、グルタミン、グリシン、セリン、スレオニン、システイン、アスパラギン、アラニン、バリン、イソロイシン、メチオニン、リジン、アルギニン、アスパラギン酸、グルタミン酸、チロシン、

プロリン、ヒスチジンのうちのいずれか 1 つのアミノ酸であることを特徴とする請求項 2 又は 4 記載の酵素。

【請求項 7】

1 0 4 番目のアミノ酸に代わる他のアミノ酸が、システインであることを特徴とする請求項 3 又は 4 記載の酵素。

【請求項 8】

配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 2 4 5 番目及び 2 7 1 番目のアミノ酸のうち少なくとも 1 個が他のアミノ酸にさらに置換されていること以外には請求項 1、2、3 又は 4 記載の酵素が有するアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列を有し、かつ、基質を還元する能力を有することを特徴とする酵素。

【請求項 9】

配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 2 4 5 番目のアミノ酸が他のアミノ酸にさらに置換されていること以外には請求項 1、2、3 又は 4 記載の酵素が有するアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列を有し、かつ、基質を還元する能力を有することを特徴とする酵素。

【請求項 1 0】

配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 2 7 1 番目のアミノ酸が他のアミノ酸にさらに置換されていること以外には請求項 1、2、3 又は 4 記載の酵素が有するアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列を有し、かつ、基質を還元する能力を有することを特徴とする酵素。

【請求項 1 1】

配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 2 4 5 番目及び 2 7 1 番目のアミノ酸が、同じ又は異なって、他のアミノ酸にさらに置換されていること以外には請求項 1、2、3 又は 4 記載の酵素が有するアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列を有し、かつ、基質を還元する能力を有することを特徴とする酵素。

【請求項 1 2】

2 4 5 番目のアミノ酸に代わる他のアミノ酸が、アルギニンであることを特徴とする請求項 9 又は 1 1 記載の酵素。

【請求項 1 3】

2 7 1 番目のアミノ酸に代わる他のアミノ酸が、アスパラギン酸であることを特徴とする請求項 1 0 又は 1 1 記載の酵素。

【請求項 1 4】

下記のいずれかの 1 つのアミノ酸配列を有することを特徴とする酵素。

＜アミノ酸配列群＞

(a) 配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 5 4 番目のアミノ酸がグルタミンに、1 0 4 番目のアミノ酸がシステインに置換されていること以外には配列番号 1 で示されるアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列

(b) 配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 5 4 番目のアミノ酸がグルタミンに、1 0 4 番目のアミノ酸がシステインに、2 7 1 番目のアミノ酸がアスパラギン酸に置換されていること以外には配列番号 1 で示されるアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列

(c) 配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 5 4 番目のアミノ酸がグルタミンに、1 0 4 番目のアミノ酸がシステインに、2 4 5 番目のアミノ酸がアルギニンに、2 7 1 番目のアミノ酸がアスパラギン酸に置換されていること以外には配列番号 1 で示されるアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列

(d) 配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 5 4 番目のアミノ酸がグルタミンに、2 4 5 番目のアミノ酸がアルギニンに置換されていること以外には配列番号 1 で示されるアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列

(e) 配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 5 4 番目のアミノ酸がグルタミンに、2 4 5 番目のアミノ酸がアルギニンに、2 7 1 番目のアミノ酸がアスパラギン酸に置換されていること以外には配列番号 1 で示されるアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列

(f) 配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 5 4 番目のアミノ酸がグルタミンに、2 7 1 番目のアミノ酸がアスパラギン酸に置換されていること以外には配列番号 1 で示されるアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列

【請求項 1 5】

請求項 1 又は 8 記載の酵素が有するアミノ酸配列をコードする塩基配列を有することを特徴とするポリヌクレオチド。

【請求項 1 6】

請求項 1 5 記載のポリヌクレオチドを含有することを特徴とするベクター。

【請求項 1 7】

請求項 1 5 記載のポリヌクレオチド又は請求項 1 6 記載のベクターを保有することを特徴とする形質転換体。

【請求項 1 8】

請求項 1 6 記載のベクターが、酸化型  $\beta$ -ニコチンアミドアデニンジヌクレオチドリノ酸又は酸化型  $\beta$ -ニコチンアミドアデニンジヌクレオチドを還元型に変換する能力を有するタンパク質のアミノ酸配列をコードする塩基配列を有するポリヌクレオチドをさらに含有することを特徴とするベクター。

【請求項 1 9】

請求項 1 7 記載の形質転換体が、酸化型  $\beta$ -ニコチンアミドアデニンジヌクレオチドリノ酸又は酸化型  $\beta$ -ニコチンアミドアデニンジヌクレオチドを還元型に変換する能力を有するタンパク質のアミノ酸配列をコードする塩基配列を有するポリヌクレオチドをさらに保有することを特徴とする形質転換体。

【請求項 2 0】

4-ハロ-3-オキシ酪酸エステルに請求項 1 7 又は 1 9 記載の形質転換体又はその処理物を作用させることを特徴とする (S)-4-ハロ-3-ヒドロキシ酪酸エステルの製造方法。

【請求項 2 1】

酵素の改変方法であって、配列番号 1 で示されるアミノ酸配列を有する酵素が触媒として機能する還元反応における反応生成物の光学純度、又は基質の絶対立体配置に対する当該酵素の認識性、を向上させるために、当該酵素が有するアミノ酸配列における 5 4 番目及び 1 0 4 番目のアミノ酸のうち少なくとも 1 個を他のアミノ酸に置換する工程を含有すること特徴とする方法。

【請求項 2 2】

改変型酵素遺伝子の製造方法であって、配列番号 1 で示されるアミノ酸配列をコードする塩基配列において、配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 5 4 番目及び 1 0 4 番目のアミノ酸のうち少なくとも 1 個に対応するコドン进行を他のア

ミノ酸に対応するコドンに置換する工程を含有すること特徴とする方法。

【発明の詳細な説明】

【0001】

【発明の属する技術分野】

本発明は、還元反応、特に $\beta$ ケト酸の還元反応等に利用可能な改変型還元酵素、その遺伝子及びそれらの利用に関するものである。

【0002】

【従来の技術および発明が解決しようとする課題】

還元酵素は、基質を還元する触媒能を有し、近年、例えば医薬品の有効成分となる化合物やその中間体、特に光学活性である化合物やその中間体等を製造する為の有機合成反応に利用されている。

光学活性である化合物やその中間体等を製造する為に工業的に利用される還元酵素としては、還元反応における反応生成物の光学純度が高いこと又は基質の絶対立体配置に対する当該酵素の認識性が高いことや、温度・pH・溶媒・圧力等に対する安定性が高いことが望ましい。中でも反応生成物の光学純度が高い場合又は基質の絶対立体配置に対する酵素の認識性が高い場合には、酵素が特定の絶対立体配置を有する反応生成物を生成する反応を優先的に触媒したり又は酵素が特定の絶対立体配置を有する基質における反応を優先的に触媒し、その結果、得られる反応生成物の光学純度を高くすることが可能となる。そこで、このような性質において優れた還元酵素が切望されている。

【0003】

【課題を解決するための手段】

このような状況下で、本発明者らは、遺伝子の部位特異的変異導入技術を用いて、鋭意検討を行った結果、野生型のアミノ酸配列においてある特定のアミノ酸が置換されているアミノ酸配列を有する改変型還元酵素が、光学純度が高い反応生成物を製造することを見いだし、本発明を完成した。

即ち、本発明は、

1. 配列番号1で示されるアミノ酸配列における54番目及び104番目のアミノ酸のうち少なくとも1個が他のアミノ酸に置換されていること以外には配列番



号 1 で示されるアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列を有し、かつ、基質を還元する能力を有することを特徴とする酵素（以下、本発明還元酵素と記すこともある。）；

2. 配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 5 4 番目のアミノ酸が他のアミノ酸に置換されていること以外には配列番号 1 で示されるアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列を有し、かつ、基質を還元する能力を有することを特徴とする酵素；

3. 配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 1 0 4 番目のアミノ酸が他のアミノ酸に置換されていること以外には配列番号 1 で示されるアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列を有し、かつ、基質を還元する能力を有することを特徴とする酵素；

4. 配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 5 4 番目及び 1 0 4 番目のアミノ酸が、同じ又は異なって、他のアミノ酸に置換されていること以外には配列番号 1 で示されるアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列を有し、かつ、基質を還元する能力を有することを特徴とする酵素；

5. 5 4 番目のアミノ酸に代わる他のアミノ酸が、非芳香族アミノ酸であることを特徴とする前項 2 又は 4 記載の酵素；

6. 5 4 番目のアミノ酸に代わる他のアミノ酸が、グルタミン、グリシン、セリン、スレオニン、システイン、アスパラギン、アラニン、バリン、イソロイシン、メチオニン、リジン、アルギニン、アスパラギン酸、グルタミン酸、チロシン、プロリン、ヒスチジンのうちのいずれか 1 つのアミノ酸であることを特徴とする前項 2 又は 4 記載の酵素；

7. 1 0 4 番目のアミノ酸に代わる他のアミノ酸が、システインであることを特徴とする前項 3 又は 4 記載の酵素；

8. 配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 2 4 5 番目及び 2 7 1 番目のアミノ酸のうち少なくとも 1 個が他のアミノ酸にさらに置換されていること以外には請求項 1、2、3 又は 4 記載の酵素が有するアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列を有し、かつ、基質を還元する能力を有することを特徴とする酵素；

9. 配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 2 4 5 番目のアミノ酸が他のア

ミノ酸にさらに置換されていること以外には請求項 1、2、3 又は 4 記載の酵素が有するアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列を有し、かつ、基質を還元する能力を有することを特徴とする酵素；

10. 配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 271 番目のアミノ酸が他のアミノ酸にさらに置換されていること以外には請求項 1、2、3 又は 4 記載の酵素が有するアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列を有し、かつ、基質を還元する能力を有することを特徴とする酵素；

11. 配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 245 番目及び 271 番目のアミノ酸が、同じ又は異なって、他のアミノ酸にさらに置換されていること以外には請求項 1、2、3 又は 4 記載の酵素が有するアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列を有し、かつ、基質を還元する能力を有することを特徴とする酵素；

12. 245 番目のアミノ酸に代わる他のアミノ酸が、アルギニンであることを特徴とする前項 9 又は 11 記載の酵素；

13. 271 番目のアミノ酸に代わる他のアミノ酸が、アスパラギン酸であることを特徴とする前項 10 又は 11 記載の酵素；

14. 下記のいずれかの 1 つのアミノ酸配列を有することを特徴とする酵素

#### ＜アミノ酸配列群＞

(a) 配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 54 番目のアミノ酸がグルタミンに、104 番目のアミノ酸がシステインに置換されていること以外には配列番号 1 で示されるアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列

(b) 配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 54 番目のアミノ酸がグルタミンに、104 番目のアミノ酸がシステインに、271 番目のアミノ酸がアスパラギン酸に置換されていること以外には配列番号 1 で示されるアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列

(c) 配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 54 番目のアミノ酸がグルタミンに、104 番目のアミノ酸がシステインに、245 番目のアミノ酸がアルギニンに、271 番目のアミノ酸がアスパラギン酸に置換されていること以外には配列番号 1 で示されるアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列

(d) 配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 54 番目のアミノ酸がグルタ

ミンに、245番目のアミノ酸がアルギニンに置換されていること以外には配列番号1で示されるアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列

(e) 配列番号1で示されるアミノ酸配列における54番目のアミノ酸がグルタミンに、245番目のアミノ酸がアルギニンに、271番目のアミノ酸がアスパラギン酸に置換されていること以外には配列番号1で示されるアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列

(f) 配列番号1で示されるアミノ酸配列における54番目のアミノ酸がグルタミンに、271番目のアミノ酸がアスパラギン酸に置換されていること以外には配列番号1で示されるアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列；

15. 前項1又は8記載の酵素が有するアミノ酸配列をコードする塩基配列を有することを特徴とするポリヌクレオチド；

16. 前項15記載のポリヌクレオチドを含有することを特徴とするベクター；

17. 前項15記載のポリヌクレオチド又は前項16記載のベクターを保有することを特徴とする形質転換体；

18. 前項16記載のベクターが、酸化型 $\beta$ -ニコチンアミドアデニンジヌクレオチドリノ酸又は酸化型 $\beta$ -ニコチンアミドアデニンジヌクレオチドを還元型に変換する能力を有するタンパク質のアミノ酸配列をコードする塩基配列を有するポリヌクレオチドをさらに含有することを特徴とするベクター；

19. 前項17記載の形質転換体が、酸化型 $\beta$ -ニコチンアミドアデニンジヌクレオチドリノ酸又は酸化型 $\beta$ -ニコチンアミドアデニンジヌクレオチドを還元型に変換する能力を有するタンパク質のアミノ酸配列をコードする塩基配列を有するポリヌクレオチドをさらに保有することを特徴とする形質転換体；

20. 4-ハロ-3-オキソ酪酸エステルに前項17又は19記載の形質転換体又はその処理物を作用させることを特徴とする(S)-4-ハロ-3-ヒドロキシ酪酸エステルの製造方法；

21. 酵素の改変方法であって、配列番号1で示されるアミノ酸配列を有する酵素が触媒として機能する還元反応における反応生成物の光学純度、又は基質の絶対立体配置に対する当該酵素の認識性、を向上させるために、当該酵素が有するアミノ酸配列における54番目及び104番目のアミノ酸のうち少なくとも1個

を他のアミノ酸に置換する工程を含有すること特徴とする方法；

2 2. 改変型酵素遺伝子の製造方法であって、配列番号 1 で示されるアミノ酸配列をコードする塩基配列において、配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 5 4 番目及び 1 0 4 番目のアミノ酸のうち少なくとも 1 個に対応するコドンを他のアミノ酸に対応するコドンに置換する工程を含有すること特徴とする方法；  
等を提供するものである。

【 0 0 0 4 】

【発明の実施の形態】

以下、さらに詳細に本発明を説明する。

配列番号 1 で示されるアミノ酸配列を有する還元酵素（以下、野生型還元酵素と記すこともある。）は、ペニシリウム・シトリナム (*Penicillium citrinum*) IF04631株（財団法人 発酵研究所 ([www.ifo.or.jp](http://www.ifo.or.jp)) から入手可能）由来の還元酵素である。当該還元酵素および本発明還元酵素の酵素活性（即ち、基質を還元する能力）は、これらの還元酵素を例えば 4 - ブロモ - 3 - オキシ酪酸メチル、NADPH と混合して 3 0 °C で保温し、遊離する NADP<sup>+</sup> 量を反応液の 3 4 0 n m における吸光度を指標に定量することにより測定することができる。

【 0 0 0 5 】

本発明還元酵素のアミノ酸配列をコードする塩基配列を有する遺伝子（以下、本発明遺伝子と記す。）を取得するには、まず、野生型還元酵素のアミノ酸配列をコードする塩基配列を有する遺伝子（以下、野生型遺伝子と記す。）を取得するとよい。野生型遺伝子とは、例えば、配列番号 2 に示される塩基配列を有する遺伝子であり、例えば J. Sambrook, E. F. Fritsch, T. Maniatis 著；モレキュラー クローニング 第 2 版 (Molecular Cloning 2nd edition)、コールドスプリングハーバー ラボラトリー (Cold Spring Harbor Laboratory) 発行、1 9 8 9 年、等に記載の通常の遺伝子工学的手法に準じてペニシリウム・シトリナム (*Penicillium citrinum*) IF04631株から取得することができる。即ち、ペニシリウム・シトリナム (*Penicillium citrinum*) IF04631株から「新 細胞工学実験プロトコール」（東京大学医科学研究所制癌研究部編、秀潤社、1993年）に記載された方法に準じて cDNA ライブラリーを調製し、調製された cDNA ライブラリーを鋳

型として、かつ適切なプライマーを用いてPCRを行うことにより、配列番号1で示されるアミノ酸配列をコードする塩基配列からなるDNA、配列番号1で示されるアミノ酸配列において1若しくは複数のアミノ酸が欠失、置換若しくは付加されたアミノ酸配列をコードする塩基配列からなるDNA、配列番号2で示される塩基配列を有するDNA等を増幅して本還元酵素遺伝子を調製する。

ここでペニシリウム・シトリナム由来のcDNAライブラリーを鋳型として、かつ配列番号3に示される塩基配列を有するオリゴヌクレオチドと配列番号4に示される塩基配列を有するオリゴヌクレオチドとをプライマーに用いてPCRを行う場合には、配列番号2で示される塩基配列からなるDNAを増幅して本還元酵素遺伝子を調製することになる。

本発明において野生型還元酵素が有するアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列とは、配列番号1で示されるアミノ酸配列又は当該配列において数個のアミノ酸が欠失、付加又は置換されてなる実質的に同一なアミノ酸配列（即ち、等価配列）を意味している。ここで「置換」としては、野生型還元酵素の疎水性、電荷、pK、立体構造上における特徴等の類似した性質を有するアミノ酸への置換があげられ、このような置換としては、例えば、①グリシン、アラニン；②バリン、イソロイシン、ロイシン；③アスパラギン酸、グルタミン酸、アスパラギン、グルタミン、④セリン、スレオニン；⑤リジン、アルギニン；⑥フェニルアラニン、チロシンのグループ内での置換があげられる。

#### 【0006】

野生型遺伝子に部位特異的変異を導入することによって、本発明遺伝子を調製することができる。部位特異的変異導入法としては、例えば、Olfert Landt ら (Gene 96 125-128 1990)、Smith ら (Genetic Engineering 3 1 Setlow, J. and Hollaender, A Plenum: New York)、Vlasuk ら (Experimental Manipulation of Gene Expression, Inouye, M.: Academic Press, New York)、Hos. N. Hunt ら (Gene 7 7 51 1989) の方法や Mutan-Express Km (宝酒造社製) や TaKaRa La PCR in vitro Mutagenesis Kit (宝酒造社製) の市販キットの利用等があげられる。

#### 【0007】

例えば、Olfert Landt ら (Gene 96 125-128 1990) の方法を用いて、配列番号

1で示されるアミノ酸配列においてその54番目のアミノ酸が他のアミノ酸で置換されているアミノ酸配列をコードする本発明遺伝子を調製するには、まず、配列番号2で示される塩基配列を有する野生型遺伝子が組み込まれたベクターDNAを、例えばJ.sambrook、E.F.Fritsch、T.Maniatis著；モレキュラー クローニング 第2版(Molecular Cloning 2nd edition)、コールドスプリング ハーバー ラボラトリー(Cold Spring Harbor Laboratory)発行、1989年、等に記載の方法に準じて調製する。次いで、得られたベクターDNAを鋳型にして、例えば、配列番号1で示されるアミノ酸配列における54番目のアミノ酸が他のアミノ酸に置換されているアミノ酸配列をコードする塩基配列を含むオリゴヌクレオチド（例えば、配列番号5で示される塩基配列を有するオリゴヌクレオチド）を片側のプライマーとして用い、配列番号6で示される塩基配列を有するオリゴヌクレオチドをもう一方の側のプライマーとして用いて、PCR法によるDNA断片の増幅を行うとよい。ここで、PCR反応の条件としては、例えば、94℃にて5分間保温した後、94℃にて1分間、次いで50℃にて2分間、さらに75℃にて3分間保温する処理を20サイクル行い、最後に75℃で8分間保温する。このようにして増幅されたDNA断片を、精製した後、配列番号3で示される塩基配列を有する野生型遺伝子が組み込まれたベクターDNAと配列番号4で示される塩基配列を有するオリゴヌクレオチドプライマーを加え、PCR法により、DNA断片の増幅を行うとよい。このようにして得られたDNA断片を、例えば制限酵素NcoIおよびXbaIで消化し、同様の制限酵素消化を行った野生型還元酵素遺伝子を含むベクターDNAとライゲーション反応を行うことにより、目的とする本発明遺伝子を得ることができる。

54番目のアミノ酸に代わる他のアミノ酸としては、グルタミン、グリシン、セリン、スレオニン、システイン、アスパラギン、アラニン、バリン、イソロイシン、メチオニン、リジン、アルギニン、アスパラギン酸、グルタミン酸、チロシン、プロリン、ヒスチジン等があげられ、好ましく非芳香族アミノ酸をあげることができる。

【0008】

また例えば、Olfert Landtら (Gene 96 125-128 1990) の方法を用いて、配列

番号1で示されるアミノ酸配列においてその104番目のアミノ酸が他のアミノ酸で置換されているアミノ酸配列をコードする本発明遺伝子を調製するには、まず、配列番号2で示される塩基配列を有する野生型遺伝子が組み込まれたベクターDNAを、例えばJ.sambrook,E.F.Fritsch,T.Maniatis著;モレキュラー クローニング 第2版(Molecular Cloning 2nd edition)、コールドスプリング ハーバー ラボラトリー(Cold Spring Harbor Laboratory)発行、1989年、等に記載の方法に準じて調製する。次いで、得られたベクターDNAを鋳型にして、例えば、配列番号1で示されるアミノ酸配列における104番目のアミノ酸が他のアミノ酸に置換されているアミノ酸配列をコードする塩基配列を含むオリゴヌクレオチド(例えば、配列番号7で示される塩基配列を有するオリゴヌクレオチド)を片側のプライマーとして用い、配列番号6で示される塩基配列を有するオリゴヌクレオチドをもう一方の側のプライマーとして用いて、PCR法によるDNA断片の増幅を行うとよい。ここで、PCR反応の条件としては、例えば、94℃にて5分間保温した後、94℃にて1分間、次いで50℃にて2分間、さらに75℃にて3分間保温する処理を20サイクル行い、最後に75℃で8分間保温する。このようにして増幅されたDNA断片を、精製した後、配列番号3で示される塩基配列を有する野生型遺伝子が組み込まれたベクターDNAと配列番号4で示される塩基配列を有するオリゴヌクレオチドプライマーを加え、PCR法により、DNA断片の増幅を行うとよい。このようにして得られたDNA断片を、例えば制限酵素NcoIおよびXbaIで消化し、同様の制限酵素消化を行った野生型還元酵素遺伝子を含むベクターDNAとライゲーション反応を行うことにより、目的とする本発明遺伝子を得ることができる。

104番目のアミノ酸に代わる他のアミノ酸としては、システイン等があげられる。

#### 【0009】

もちろん本発明還元酵素では、配列番号1で示されるアミノ酸配列における54番目のアミノ酸と104番目のアミノ酸との両者が、同じ又は異なって、他のアミノ酸に置換されていてもよい。

#### 【0010】

本発明遺伝子の具体的な例としては、

(a) 配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 5 4 番目のアミノ酸がグルタミンに、1 0 4 番目のアミノ酸がシステインに置換されていること以外には配列番号 1 で示されるアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列を有する酵素；

(a 1) 配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 5 4 番目のアミノ酸がグルタミンに置換されていること以外には配列番号 1 で示されるアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列を有する酵素；

(a 2) 配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 1 0 4 番目のアミノ酸がシステインに置換されていること以外には配列番号 1 で示されるアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列を有する酵素；

等をあげることができる。

#### 【 0 0 1 1 】

さらに本発明には、配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 2 4 5 番目及び 2 7 1 番目のアミノ酸のうち少なくとも 1 個が他のアミノ酸にさらに置換されている本発明還元酵素（即ち、配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 5 4 番目及び 1 0 4 番目のアミノ酸のうち少なくとも 1 個が他のアミノ酸に置換され、かつ、配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 2 4 5 番目及び 2 7 1 番目のアミノ酸のうち少なくとも 1 個が他のアミノ酸にさらに置換されていること以外には配列番号 1 で示されるアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列を有し、かつ、基質を還元する能力を有する酵素）（以下、第二の本発明還元酵素と記すこともある。）も含まれる。

例えば、Olfert Landt ら（Gene 96 125-128 1990）の方法を用いて、第二の本発明還元酵素のアミノ酸配列をコードする塩基配列を有するポリヌクレオチド（以下、第二の本発明遺伝子と記すこともある。）を調製するにも、前述の本発明遺伝子を調製する方法に準じた方法を用いて調製すればよい。

2 4 5 番目のアミノ酸に代わる他のアミノ酸としては、アルギニン等があげられ、また 2 7 1 番目のアミノ酸に代わる他のアミノ酸としては、アスパラギン酸等があげられる。

#### 【 0 0 1 2 】



第二の本発明遺伝子の具体的な例としては、

(b) 配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 5 4 番目のアミノ酸がグルタミンに、1 0 4 番目のアミノ酸がシスステインに、2 7 1 番目のアミノ酸がアスパラギン酸に置換されていること以外には配列番号 1 で示されるアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列を有する酵素；

(c) 配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 5 4 番目のアミノ酸がグルタミンに、1 0 4 番目のアミノ酸がシスステインに、2 4 5 番目のアミノ酸がアルギニンに、2 7 1 番目のアミノ酸がアスパラギン酸に置換されていること以外には配列番号 1 で示されるアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列を有する酵素；

(d) 配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 5 4 番目のアミノ酸がグルタミンに、2 4 5 番目のアミノ酸がアルギニンに置換されていること以外には配列番号 1 で示されるアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列を有する酵素；

(e) 配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 5 4 番目のアミノ酸がグルタミンに、2 4 5 番目のアミノ酸がアルギニンに、2 7 1 番目のアミノ酸がアスパラギン酸に置換されていること以外には配列番号 1 で示されるアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列を有する酵素；

(f) 配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 5 4 番目のアミノ酸がグルタミンに、2 7 1 番目のアミノ酸がアスパラギン酸に置換されていること以外には配列番号 1 で示されるアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列を有する酵素；

等をあげることができる。

#### 【 0 0 1 3 】

このようにして調製された本発明遺伝子又は第二の本発明遺伝子を用いて、通常の遺伝子工学的方法に準じ、本発明還元酵素又は第二の本発明還元酵素を大量に製造し、取得することができる。具体的には、例えば、本発明遺伝子又は第二の本発明遺伝子を微生物等の宿主細胞中で発現させることのできるベクターを調製し、これを宿主細胞に導入して宿主細胞を形質転換させることにより形質転換体を作製する。次に作製された形質転換体微生物を通常の細胞培養方法に従い培養すればよい。

上記のようなベクターは、本発明遺伝子又は第二の本発明遺伝子が導入される

宿主細胞において利用可能なベクター（以下、基本ベクターと記す。）、例えば、宿主細胞中で複製可能な遺伝情報を含み、自立的に増殖でき、宿主細胞からの単離、精製が可能であり、検出可能なマーカーをもつベクター、に通常の遺伝子工学的手法に準じて組み込むことにより構築することができる。

ここで「基本ベクター」としては、具体的には大腸菌を宿主細胞とする場合には、例えば、ベクターpUC119(宝酒造社製)やファージミドpBluescriptII(Stratagene社製)等をあげることができる。出芽酵母を宿主細胞とする場合には、ベクターpGBT9、pGAD424、pACT2(Clontech社製)等をあげることができる。また、哺乳類動物細胞を宿主細胞とする場合には、pRc/RSV、pRc/CMV(Invitrogen社製)等のベクター、ウシパピローマウイルスベクターpBPV(アマシャムファルマシアバイオテク社製)もしくはEBウイルスベクターpCEP4(Invitrogen社製)等のウイルス由来の自律複製起点を含むベクター、ワクシニアウイルス等のウイルス等をあげることができる。さらに、昆虫類動物細胞を宿主細胞とする場合には、バキュロウイルス等の昆虫ウイルスをあげることができる。

自律複製起点を含むベクター、例えば、上記の酵母用ベクターpACT2や、ウシパピローマウイルスベクターpBPV、EBウイルスベクターpCEP4等を用いて本発明ベクターを構築すると、当該ベクターは宿主細胞に導入された際にエピソームとして細胞内に保持される。

#### 【 0 0 1 4 】

尚、本発明ベクターは、酸化型 $\beta$ -ニコチンアミドアデニンジヌクレオチドリジン酸又は酸化型 $\beta$ -ニコチンアミドアデニンジヌクレオチドを還元型に変換する能力を有するタンパク質のアミノ酸配列をコードする塩基配列を有するポリヌクレオチドをさらに含有してもよい。このような本発明ベクターを用いることにより、酸化型 $\beta$ -ニコチンアミドアデニンジヌクレオチドリジン酸又は酸化型 $\beta$ -ニコチンアミドアデニンジヌクレオチドを還元型に変換する能力を有するタンパク質のアミノ酸配列をコードする塩基配列を有するポリヌクレオチドをさらに保有する本発明形質転換体を作製することもできる。

#### 【 0 0 1 5 】

本発明遺伝子又は第二の本発明遺伝子の上流に、宿主細胞で機能可能なプロモ

ーターを機能可能な形で結合させ、これを上述のような基本ベクターに組み込むことにより、本発明遺伝子又は第二の本発明遺伝子を宿主細胞で発現させることの可能な本発明ベクターを構築することができる。ここで、「機能可能な形で結合させる」とは、本発明遺伝子又は第二の本発明遺伝子が導入される宿主細胞において、プロモーターの制御下に本発明遺伝子又は第二の本発明遺伝子が発現されるように、当該プロモーターと本発明遺伝子又は第二の本発明遺伝子とを結合させることを意味する。宿主細胞で機能可能なプロモーターとしては、導入される宿主細胞内でプロモーター活性を示すDNAをあげることができる。例えば、宿主細胞が大腸菌である場合には、大腸菌のラクトースオペロンのプロモーター(lacP)、トリプトファンオペロンのプロモーター(trpP)、アルギニンオペロンのプロモーター(argP)、ガラクトースオペロンのプロモーター(galP)、tacプロモーター、T7プロモーター、T3プロモーター、 $\lambda$ ファージのプロモーター( $\lambda$ -pL、 $\lambda$ -pR)等をあげることができ、宿主細胞が動物細胞や分裂酵母である場合には、例えば、ラウス肉腫ウイルス(RSV)プロモーター、サイトメガロウイルス(CMV)プロモーター、シミアンウイルス(SV40)の初期又は後期プロモーター、マウス乳頭腫ウイルス(MMTV)プロモーター等をあげることができる。宿主細胞が出芽酵母である場合には、ADH1プロモーター(尚、ADH1プロモーターは、例えば、ADH1プロモーター及び同ターミネーターを保持する酵母発現ベクターpAAH5 [Washington Research Foundation から入手可能、Ammerer ら、Method in Enzymology、101 part (p.192-201)] から通常の遺伝子工学的的方法により調製することができる。ADH1プロモーターは、Washington Research Foundation の米国特許出願第29,733 に含まれており、米国において、工業的、商業目的で使用する場合は、権利者からの権利許諾を必要とする。)等あげることができる。

また、宿主細胞において機能するプロモーターをあらかじめ保有する基本ベクターを使用する場合には、前記プロモーターと本発明遺伝子又は第二の本発明遺伝子とが機能可能な形で結合するように、前記プロモーターの下流に本発明遺伝子又は第二の本発明遺伝子を挿入すればよい。例えば、前述のベクターpRc/RSV、pRc/CMV等には、動物細胞で機能可能なプロモーターの下流にクローニング部位が設けられている。当該クローニング部位に本発明遺伝子又は第二の本発明遺

伝子を挿入することによって得られるベクターを動物細胞へ導入することにより、当該動物細胞において本発明遺伝子又は第二の本発明遺伝子を発現させることができる。これらのベクターにはあらかじめSV40の自律複製起点 (ori) が組み込まれているため、oriを欠失したSV40ゲノムで形質転換された培養細胞、例えば、COS細胞等に当該ベクターを導入すると、細胞内でベクターのコピー数が非常に増大し、結果として当該ベクターに組み込まれた本発明遺伝子又は第二の本発明遺伝子を大量発現させることもできる。また前述の酵母用ベクターpACT2はADH1プロモーターを有しており、当該ベクター又はその誘導体のADH1プロモーターの下流に本発明遺伝子又は第二の本発明遺伝子を挿入すれば、本発明遺伝子又は第二の本発明遺伝子を、例えば、CG1945(Clontech社製)等の出芽酵母内で大量発現させることが可能な本発明ベクターが構築できる。

#### 【 0 0 1 6 】

宿主細胞としては、例えば、微生物の場合には、真核生物および原核生物のいずれも用いることができ、例えば大腸菌等をあげることができる。該宿主細胞に、通常の遺伝子工学的的方法により上記の本発明ベクターを導入し宿主細胞を形質転換することができる。

本発明ベクターを宿主細胞へ導入する方法としては、宿主細胞に応じた通常の導入方法を適用することができる。例えば、大腸菌を宿主細胞とする場合には、J.Sambrook, E.F.Frisch, T.Maniatis著；「モレキュラー・クローニング 第2版 (Molecular Cloning 2nd edition)、コールドスプリングハーバーラボラトリー (Cold Spring Harbor Laboratory発行、1989年) 等に記載される塩化カルシウム法やエレクトロポレーション法等の通常の方法を用いることができる。また、哺乳類動物細胞又は昆虫類動物細胞を宿主細胞とする場合には、例えば、リン酸カルシウム法、DEAEデキストラン法、エレクトロポレーション法又はリポフェクション法等の一般的な遺伝子導入法に準じて前記細胞に導入することができる。酵母を宿主細胞とする場合には、例えば、リチウム法を基にしたYeast transformation kit(Clontech社製)などを用いて導入することができる。

尚、ウイルスをベクターとして用いる場合には、上述のように一般的な遺伝子導入法によりウイルスのゲノムを宿主細胞に導入できるほか、本発明遺伝子の挿

入されたウイルスのゲノムを含有するウイルス粒子を、宿主細胞へ感染させることによって、当該ウイルスのゲノムを宿主細胞に導入することができる。

本発明形質転換体を選抜するには、例えば、本発明ベクターと同時にマーカー遺伝子が導入された宿主細胞を、マーカー遺伝子の性質に応じた方法によって培養すればよい。例えば、マーカー遺伝子が、宿主細胞に致死活性を示す選抜薬剤に対する薬剤耐性を付与する遺伝子である場合には、当該選抜薬剤が添加された培地を用いて、本発明ベクターが導入された宿主細胞を培養すればよい。薬剤耐性を付与する遺伝子と選抜薬剤との組み合わせとしては、例えば、ネオマイシン耐性付与遺伝子とネオマイシンとの組み合わせ、ハイグロマイシン耐性付与遺伝子とハイグロマイシンとの組み合わせ、ブラストサイジン S 耐性付与遺伝子とブラストサイジン S との組み合わせ等をあげることができる。また、マーカー遺伝子が宿主細胞の栄養要求性を相補する遺伝子である場合には、当該栄養要求性に対応する栄養素を含まない最少培地を用いて、本発明ベクターが導入された細胞を培養すればよい。また本発明遺伝子又は第二の本発明遺伝子を宿主細胞で発現させることが可能な本発明ベクターを導入した場合には、本発明還元酵素又は第二の還元酵素の酵素活性に基づく検出方法を用いることもできる。

本発明遺伝子が宿主細胞の染色体内に位置する本発明形質転換体を取得するには、例えば、まず本発明ベクターとマーカー遺伝子を有するベクターとを制限酵素等で消化することにより直鎖状にした後、これらを前述の方法で宿主細胞に導入する。次いで当該細胞を通常数週間培養した後、導入されたマーカー遺伝子の発現量に基づき目的とする形質転換体を選抜し取得すればよい。また、例えば、まず上記のような選抜薬剤を付与する遺伝子をマーカー遺伝子として有する本発明ベクターを前述の方法によって宿主細胞に導入する。次いで当該細胞を選抜薬剤が添加された培地で数週間以上継代培養した後、コロニー状に残った選抜薬剤耐性クローンを純化培養することにより、本発明遺伝子又は第二の本発明遺伝子が宿主細胞の染色体に導入されてなる本発明形質転換体を選抜し取得することもできる。導入された本発明遺伝子又は第二の本発明遺伝子が宿主細胞の染色体に組み込まれたことを確認するには、当該細胞のゲノム DNA を通常の遺伝子工学的方法に準じて調製し、調製されたゲノム DNA から、導入された本発明遺

伝子又は第二の本発明遺伝子の部分塩基配列を有するDNAをプライマーやプローブとしたPCR、サザンハイブリダイゼーション等の方法を利用して、前記本発明遺伝子又は前記第二の本発明遺伝子の存在を検出すればよい。当該形質転換体は、凍結保存が可能であり必要に応じて起眠して使用することができるので、実験毎の形質転換体作製の手間を省くことができ、また、あらかじめ性質や取扱い条件の確認された形質転換体を用いて試験を実施することが可能となる。

#### 【0017】

このようにして得られる本発明遺伝子又は第二の本発明遺伝子を含むベクターを保有する形質転換体（以下、本発明形質転換体と記すこともある。）の培養は通常の細胞培養方法によって行うことができる。

例えば、本発明形質転換体が微生物である場合には、当該形質転換体は、一般微生物における通常の培養に使用される炭素源や窒素源、有機ないし無機塩等を適宜含む各種の培地を用いて培養することができる。例えば、炭素源としては、グルコース、フルクトース、シュクロース、デキストリン等の糖類、グリセロール、ソルビトール等の糖アルコール、フマル酸、クエン酸等の有機酸等があげられる。これら炭素源の培地への添加量は通常0.1～10%程度とするとよい。窒素源としては、塩化アンモニウム、硫酸アンモニウム、リン酸アンモニウム等の無機酸のアンモニウム塩、フマル酸アンモニウム、クエン酸アンモニウム等の有機酸のアンモニウム塩、肉エキス、酵母エキス、麦芽エキス、大豆粉、コーンステイプリカー、綿実粉、乾燥酵母、カゼイン加水分解物等の天然有機窒素源又はアミノ酸類等があげられる。このうち有機窒素源は、多くの場合、炭素源と兼用することができる。窒素源の添加量は通常0.1～10%程度とするとよい。また無機塩類としては、リン酸カリウム、リン酸ナトリウム等のリン酸アルカリ金属塩、塩化カリウム、塩化ナトリウム等の塩化アルカリ金属塩、硫酸マグネシウム、硫酸第一鉄等の硫酸金属塩等をあげることができ、その添加量は通常0.001～1%程度とするとよい。

尚、あらかじめ培地中に原料となる基質を少量添加しておくこと、本発明に関する形質転換体の能力を高めることができる。添加する基質の量は、通常0.001%程度以上、好ましくは0.1～1%程度がよい。

培養は、一般微生物における通常の方法に準じて行い、固体培養、液体培養（旋回式振盪培養、往復式振盪培養、ジャーファーマンター（JarFermenter）培養、タンク培養等）等が可能である。特に、ジャーファーマンターを用いる場合、無菌空気を導入する必要がある、通常、培養液量の約0.1～約2倍／分の通気条件を用いる。培養温度及び培地のpHは、微生物が生育する範囲から適宜選ぶことができ、例えば、約15℃～約40℃の培養温度にて、pHが約6～約8の培地で培養することが好ましい。培養時間は、種々の培養条件によって異なるが、通常約1日間～約5日間が望ましい。温度シフト型やIPTG誘導型等の誘導型のプロモーターを有する発現ベクターを用いた場合には、誘導時間は1日間以内が好ましく、通常数時間である。

また、上記形質転換体が哺乳類、昆虫類等の動物細胞である場合には、当該形質転換体は一般の培養細胞における通常の培養に使用される培地を用いて培養することができる。選抜薬剤を利用して当該形質転換体を作製した場合には、当該選抜薬剤の存在下に培養することが好ましい。哺乳類動物細胞の場合には、例えば、終濃度が10%となるようFBSが添加されたDMEM培地（ニッスイ社製等）を用いて37℃、5%CO<sub>2</sub>存在下等の条件で数日毎に新しい培養液に交換しながら培養すればよい。細胞がコンフルエントになるまで増殖したら、例えば、0.25(w/v)程度となるようトリプシンが添加されたPBS溶液を加えて個々の細胞に分散させ、数倍に希釈して新しいシャーレに播種し培養を続ける。昆虫類動物細胞の場合も同様に、例えば、10%(v/v)FBS及び2%(w/v)Yeastlateを含むGrace's medium等の昆虫細胞用培養液を用いて培養温度25℃から35℃で培養すればよい。この際、Sf21細胞等のシャーレからはがれやすい細胞の場合には、トリプシン液を用いずピペッティングにより分散させ継代培養を行なうことができる。また、バキュロウイルス等のウイルスベクターを含む形質転換体の場合には、培養時間は細胞質効果が現れて細胞が死滅する前、例えば、ウイルス感染後72時間までとすることが好ましい。

このようにして調製された本発明還元酵素又は第二の本発明還元酵素を産生する本発明形質転換体又はその処理物は、基質を還元するバイオリアクターとして、例えば医農薬の有効生物となる化合物（例えば、4-ハロ-3-オキソ酪酸エ

ステル等) やその中間体、特に光学活性である化合物やその中間体等を製造する為の有機合成反応に利用することが可能である。

本発明形質転換体の処理物としては、前記のようにして培養することにより得られた本発明形質転換体の培養物、例えば、本発明形質転換体自体や本発明形質転換体を含む培養液、又は、例えば、物理的殺菌法(加熱、乾燥、冷凍、光線、超音波、ろ過、通電)や、化学薬品を用いる殺菌法(アルカリ、酸、ハロゲン、酸化剤、硫黄、ホウ素、砒素、金属、アルコール、フェノール、アミン、サルファイド、エーテル、アルデヒド、ケトン、シアン、抗生物質)等により死菌化処理を施した死菌化細胞、凍結乾燥細胞、アセトン乾燥細胞、細胞摩砕物、細胞の自己消化物、細胞の超音波処理物、細胞抽出物、粗精製酵素、精製酵素、若しくは、それら処理物を、例えば、ポリアクリルアミド法、含硫多糖ゲル法(例えばカラギーナンゲル法)、アルギン酸ゲル法、寒天ゲル等の公知方法により固定化した不溶物等の処理物をあげることができる。

#### 【0018】

このように、本発明形質転換体を培養して得られる培養物から本発明還元酵素又は第二の本発明還元酵素を採取・精製し、これらをエンザイムリアクターとして利用することもできる。本発明形質転換体の培養物からの還元酵素の採取・精製は、蛋白質の通常の抽出・単離・精製の方法を適宜組み合わせる実施すれば良く、例えば、培養終了後、本発明形質転換体の培養物を遠心分離等で集め、破砕または溶菌せしめ、イオン交換、疎水、ゲルろ過等の各種クロマトグラフィーを用いた工程を組み合わせる本発明還元酵素又は第二の本発明還元酵素を採取・精製すればよいし、さらに上述のように、本発明形質転換体、本発明還元酵素又は第二の本発明還元酵素を適当な担体に固定化しリアクターとして利用してもよい。

#### 【0019】

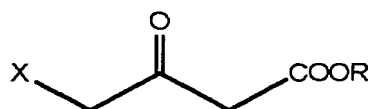
本発明形質転換体又はその処理物を4-ハロ-3-オキソ酪酸エステルに作用させることにより、例えば、(S)-4-ハロ-3-ヒドロキシ酪酸エステルを製造することができる。

#### 【0020】



上記の 4 - ハロ - 3 - オキシ酪酸エステルは、一般式 化 1

【化 1】



で示されるエステル（式中、Xは塩素原子、臭素原子またはヨウ素原子であり、Rはアルキル基、アリール基またはそれらの置換体を表す。）である。尚、一般式 化 1 で示されるエステルにおけるRとしてのアルキル基は、炭素原子 1 ～ 8 個の低級アルキル基であることが好ましい。

具体的には、4 - クロロ - 3 - オキシ酪酸メチル、4 - クロロ - 3 - オキシ酪酸エチル、4 - クロロ - 3 - オキシ酪酸プロピル、4 - ブロモ - 3 - オキシ酪酸メチル、4 - ブロモ - 3 - オキシ酪酸エチル、4 - ブロモ - 3 - オキシ酪酸プロピル及び4 - ブロモ - 3 - オキシ酪酸オクチル等をあげることができる。

【0 0 2 1】

反応は、通常、水及び還元型ニコチンアミドアデニンジヌクレオチドリ酸（以下、NADPHと記す。）の存在下に行われる。この際に用いられる水は、緩衝水溶液であってもよい。当該緩衝水溶液に用いられる緩衝剤としては、例えば、リン酸ナトリウム、リン酸カリウム等のリン酸アルカリ金属塩、酢酸ナトリウム水溶液、酢酸カリウム等の酢酸アルカリ金属塩及びこれらの混合物が挙げられる。

【0 0 2 2】

上記方法においては、水に加えて有機溶媒を共存させることもできる。共存させることができる有機溶媒としては、例えば、*t*-ブチルメチルエーテル、ジイソプロプルエーテル、テトラヒドロフラン等のエーテル類、ギ酸エチル、酢酸エチル、酢酸プロピル、酢酸ブチル、プロピオン酸エチル、プロピオン酸ブチル等のエステル類、トルエン、ヘキサン、シクロヘキサン、ヘプタン、イソオクタン等の炭化水素類、メタノール、エタノール、2 - プロパノール、ブタノール、*t*-ブチルアルコール等のアルコール類ジメチルスルホキシド等の有機硫黄化合物、アセトン等のケトン類、アセトニトリル等のニトリル類及びこれらの混合物

が挙げられる。

【 0 0 2 3 】

上記方法における反応は、例えば、水、NADPH、及び4-ハロ-3-オキソ酪酸エステルを、本発明形質転換体又はその処理物とともに、必要によりさらに有機溶媒等を含む状態で、攪拌、振盪等により混合することにより行われる。

【 0 0 2 4 】

上記方法における反応時のpHは適宜選択することができるが、通常pH3～10の範囲である。また反応温度は適宜選択することができるが、原料及び生成物の安定性、反応速度の点から通常0～60℃の範囲である。

【 0 0 2 5 】

反応の終点は、例えば、反応液中の4-ハロ-3-オキソ酪酸エステルの量を液体クロマトグラフィー等により追跡することにより決めることができる。

反応時間は適宜選択することができるが、通常0.5時間から10日間の範囲である。

【 0 0 2 6 】

反応液からの(S)-4-ハロ-3-ヒドロキシ酪酸エステルの回収は、一般に知られている任意の方法で行えばよい。

例えば、反応液の有機溶媒抽出操作、濃縮操作等の後処理を、必要によりカラムクロマトグラフィー、蒸留等を組み合わせて、行なうことにより精製する方法が挙げられる。

【 0 0 2 7 】

さらに本発明は、酵素の改変方法であって、配列番号1で示されるアミノ酸配列を有する酵素が触媒として機能する還元反応における反応生成物の光学純度又は基質の絶対立体配置に対する当該酵素の認識性を向上させるために、当該酵素が有するアミノ酸配列における54番目及び104番目のアミノ酸のうち少なくとも1個を他のアミノ酸に置換する工程を含むこと特徴とする方法や、改変型酵素遺伝子の製造方法であって、配列番号1で示されるアミノ酸配列をコードする塩基配列において、配列番号1で示されるアミノ酸配列における54番目及び

1 0 4 番目のアミノ酸のうち少なくとも 1 個に対応するコドンを他のアミノ酸に対応するコドンに置換する工程を含有すること特徴とする方法も含む。

【 0 0 2 8 】

【実施例】

以下、製造例等により本発明をさらに詳しく説明するが、本発明はこれらの例に限定されるものではない。

【 0 0 2 9 】

実施例 1 （鋳型 DNA である野生型還元酵素の遺伝子の調製）

（ 1 - 1 ） c DNA ライブラリーの調製

5 0 0 m l フラスコに培地（水にポテト・デキストロース・ブローズ（ベクトン・ディッキンソン社製）を 2 4 g / L の割合で溶解したもの） 1 0 0 m l を入れ、 1 2 1 ° C で 1 5 分間滅菌した。このようにして調製された培地に、前記組成の液体培地中で予め培養（ 3 0 ° C 、 4 8 時間、振盪培養）されたペニシリウム・シトリナム（*Penicillium citrinum*） IF04631 株（財団法人 発酵研究所（[www.ifo.or.jp](http://www.ifo.or.jp)）から入手可能）の培養液 0 . 5 m l を接種し、これを 3 0 ° C で 7 2 時間振盪培養した。

培養後、得られた培養液を遠心分離（ 8 0 0 0 × g 、 1 0 分）することにより、沈殿として菌体を回収した。回収された菌体を 2 0 m M リン酸 1 カリウム - リン酸 2 カリウムバッファー（p H 7 . 0 ） 5 0 m l で 3 回洗浄することにより、約 1 . 0 g の洗浄菌体を得た。

このようにして得られた洗浄菌体からチオシアン酸グアニジンフェノールクロロホルム法を用いて全 RNA を調製した。調製された全 RNA から、Oligotex (dT) 30-Super (宝酒造社製) を用いて poly(A) を有する RNA を得た。

c DNA ライブラリーの作製は、Gubler and Hoffman 法に基づいて実施した。まず、上記のようにして得られた poly(A) を有する RNA、Oligo(dT) 18-リンカープライマー（（含 XhoI サイト）宝酒造社製）、RAV-2 Rtase 及び SuperScript II Rtase を用いて一本鎖 cDNA を調製した。調製された一本鎖 cDNA （を含む前記反応液）に E. coli DNA polymerase、E. coli Rnase/E. coli DNA Ligase Mixture 及び T4 DNA Polymerase を加えることにより、二本鎖 cDNA の合成及び当該

二本鎖 cDNA の平滑末端処理を行った。

このようにして得られた二本鎖 cDNA と EcoRI-NotI-BamHI アダプター（宝酒造社製）とのライゲーションを行った。ライゲーション後に得られた DNA を、以下の順で、リン酸化処理、XhoI での切断処理、スピンカラム（宝酒造社製）を用いる低分子量 DNA の除去処理及び λ ZapII（EcoRI-XhoI 切断）とのライゲーションした後、in vitro packaging kit（STRATAGENE 社製）を用いてパッケージングすることにより、cDNA ライブラリー（以下、cDNA ライブラリー（A）と記すこともある。）を調製した。

#### 【0030】

（1-2）野生型還元酵素の遺伝子を含有するベクターの調製（ベクター pTrcRPe の構築）

配列番号 3 で示される塩基配列を有するオリゴヌクレオチド（NcoI 含む）と配列番号 4 で示されるオリゴヌクレオチド（BamHI 含む）とをプライマーに用いて、前記（1-1）で調製された cDNA ライブラリーを鋳型にして下記反応液組成、反応条件で PCR を行った。（ロシュ・ダイアグノスティック社製の Expand High Fidelity PCR System を使用）

#### 【0031】

##### 〔反応液組成〕

cDNA ライブラリー原液	1 $\mu$ l
dNTP (各 2.5mM-mix)	0.4 $\mu$ l
プライマー (20pmol/ $\mu$ l)	各 0.75 $\mu$ l
10xbuffer (with MgCl <sub>2</sub> )	5 $\mu$ l
enz.expandHiFi (3.5 × 10 <sup>3</sup> U/ml)	0.375 $\mu$ l
超純水	41.725 $\mu$ l

#### 【0032】

##### 〔反応条件〕

上記組成の反応液が入った容器を PERKIN ELMER-GeneAmp PCR System2400 にセットし、97℃（2 分間）に加熱した後、97℃（0.25 分間）-55℃（0.5 分間）-72℃（1.5 分間）のサイクルを 10 回、次いで 97℃（0.25 分間）

)-5 5℃(0. 5 分間)-7 2℃(2. 5 分間)のサイクルを 2 0 回行い、さらに 7 2℃で 7 分間保持した。

【 0 0 3 3 】

P C R 反応液を精製して得られた P C R 増幅 D N A 断片に 2 種類の制限酵素 (NcoI 及び BamHI) を加えることにより、当該 D N A 断片を 2 重消化させた。次いで得られた D N A 断片を精製した。

一方、ベクター p T r c 9 9 A (Pharmacia製) を 2 種類の制限酵素 (NcoI 及び BamHI) を加えることにより、当該ベクターを 2 重消化させた。次いで消化された D N A 断片を精製した。

このようにして精製して得られた 2 種類の D N A 断片を混合し、T 4 D N A リガーゼでライゲーションした。得られたライゲーション液で E.coli DH5  $\alpha$  を形質転換した。得られた形質転換体から QIAprep Spin Miniprep Kit (Qiagen 社製) を用いて野生型還元酵素の遺伝子を含むベクター (以下、ベクター p T r c R P c と記すこともある。) を取り出した。

【 0 0 3 4 】

実施例 2 (補酵素再生酵素の遺伝子の調製)

(2-1) 酸化型  $\beta$ -ニコチンアミドアデニンジヌクレオチド等を還元型に変換する能力を有する酵素のアミノ酸配列をコードする塩基配列を有する遺伝子を調製するための準備

5 0 0 m l フラスコに L B 培地 (1 % トリプトン、0. 5 % 酵母エキス、1 % 塩化ナトリウム) 1 0 0 m l を入れ、1 2 1℃で 1 5 分間滅菌した。このようにして調製された培地に、前記組成の液体培地で予め培養 (3 0℃、4 8 時間、振盪培養) された *Bacillus megaterium* IF012108 株の培養液 0. 3 m l を接種し、これを 3 0℃で 1 0 時間振盪培養した。

培養後、得られた培養液を遠心分離 (8 0 0 0  $\times$  g、1 0 分、4℃) することにより、沈殿として菌体を回収した。回収された菌体を 5 0 m M リン酸 1 カリウム-リン酸 2 カリウムバッファー (p H 7. 0) 3 0 m l で 3 回洗浄することにより、約 0. 4 g の洗浄菌体を得た。

このようにして得られた洗浄菌体から Qiagen Genomic Tip (Qiagen 社製) を用い

て、それに付属するマニュアルに記載される方法に従って染色体DNAを精製した。

【 0 0 3 5 】

( 2 - 2 ) 酸化型  $\beta$  - ニコチンアミドアデニンジヌクレオチド等を還元型に変換する能力を有する酵素のアミノ酸配列をコードする塩基配列を有する遺伝子の調製 ( ベクター p T r c G D H 1 2 の構築 )

The Journal of Biological Chemistry Vol.264, No.11, 6381-6385(1989)に記載された公知のBacillus megaterium IWG3由来のグルコース脱水素酵素のアミノ酸配列に基づいて配列番号8で示される塩基配列を有するオリゴヌクレオチド ( N c o I 含む ) と配列番号9で示される塩基配列を有するオリゴヌクレオチド ( B a m H I 含む ) とを合成する。

配列番号8で示される塩基配列を有するオリゴヌクレオチド ( N c o I 含む ) と配列番号9で示される塩基配列を有するオリゴヌクレオチド ( B a m H I 含む ) とをプライマーに用いて、前記 ( 2 - 1 ) で精製された染色体DNAを鋳型にして実施例1 ( 1 - 2 ) に記載させる反応液組成、反応条件でPCRを行う。( ロシュ・ダイアグノスティック社製のExpand High Fidelity PCR Systemを使用する。 )

PCR反応液を精製して得られるPCR増幅DNA断片に2種類の制限酵素 ( N c o I 及びBamHI ) を加えることにより、当該DNA断片を2重消化させる。次いで得られたDNA断片を精製する。

一方、ベクター p T r c 9 9 A ( Pharmacia 製 ) を2種類の制限酵素 ( N c o I 及びBamHI ) を加えることにより、当該ベクターを2重消化させる。次いで消化されたDNA断片を精製する。

このようにして精製して得られる2種類のDNA断片を混合し、T4 DNAリガーゼでライゲーションする。得られるライゲーション液でE.coli HB101株を形質転換する。得られる形質転換体からQIAprep Spin Miniprep Kit ( Qiagen 社製 ) を用いて酸化型  $\beta$  - ニコチンアミドアデニンジヌクレオチド等を還元型に変換する能力を有する酵素のアミノ酸配列をコードする塩基配列を有する遺伝子を含むベクター ( 以下、ベクター p T r c G D H 1 2 と記すこともある。 )

を取り出す。

【 0 0 3 6 】

実施例 3 （本発明遺伝子の作製：部位特異的変異の導入）

（ 3 - 1 ） 部位特異的変異導入操作

配列番号 2 で示される塩基配列を基にして、5 4 番目、1 0 4 番目、2 4 5 番目、2 7 1 番目のアミノ酸をそれぞれ他のアミノ酸に変換するための変異プライマーとして、配列番号 5、7、1 0 ~ 2 7 に示すように、各アミノ酸に対応する各種合成オリゴヌクレオチド（変異プライマー）を合成した。

配列番号 5、7、1 0 ~ 2 7 で示される塩基配列を有するオリゴヌクレオチドと配列番号 6 で示される塩基配列を有するオリゴヌクレオチドとをプライマーに用いて前記（1 - 2）で精製されたベクター p T r c R P c を鋳型にして以下の反応液組成、反応条件で P C R を行った（ロシュ・ダイアグノスティック社製の Expand High Fidelity PCR System を使用）。得られた P C R 反応液を P C R 反応液（A）と記す。また、配列番号 2 8 で示される塩基配列を有するオリゴヌクレオチドと配列番号 2 9 で示される塩基配列を有するオリゴヌクレオチドとをプライマーに用いて前記（1 - 2）で精製されたベクター p T r c R P c を鋳型にして以下の反応液組成、反応条件で P C R を行った（ロシュ・ダイアグノスティック社製の Expand High Fidelity PCR System を使用）。得られた P C R 反応液を P C R 反応液（B）と記す。

【 0 0 3 7 】

〔反応液組成〕

p T r c R P c ベクター溶液	1 $\mu$ l
dNTP (各 2.5 mM-mix)	0.4 $\mu$ l
プライマー (20 pmol / $\mu$ l)	各 0.75 $\mu$ l
10xbuffer (with MgCl)	5 $\mu$ l
enz.expandHiFi (3.5 $\times 10^3$ U/ml)	0.375 $\mu$ l
超純水	41.725 $\mu$ l

【 0 0 3 8 】

〔PCR 反応条件〕

上記組成に反応液が入った容器をPERKIN ELMER-GeneAmp PCR System2400にセットし、94℃(0.5分間)-55℃(2分間)-72℃(1.5分間)のサイクルを25回行った後、4℃で保存した。

【0039】

PCR反応液(A)及びPCR反応液(B)をそれぞれ精製した後、2種類のPCR増幅DNA断片を混合し、熱変性させた。熱変性後、徐々に冷却し、アニーリングさせた。これにexpandHiFiを加えてヘテロ2本鎖を完成させて、さらに配列番号28で示される塩基配列を有するオリゴヌクレオチドと配列番号6で示される塩基配列を有するオリゴヌクレオチドをプライマーとして加えてPCRを以下の反応条件で行った。(ロシュ・ダイアグノスティック社製のExpand High Fidelity PCR Systemを使用)

【0040】

[PCR反応条件]

上記組成に反応液が入った容器をPERKIN ELMER-GeneAmp PCR System2400にセットし、94℃(0.5分間)-55℃(2分間)-72℃(1.5分間)のサイクルを10回行った後、4℃で保存した。

【0041】

PCR反応液を精製した後、2種類の制限酵素(NcoIとPstI)を加えることにより、当該PCR増幅断片を2重消化させた。次いで消化されたDNA断片を精製した。

一方、ベクターベクターpTrc99Aに2種類の制限酵素(NcoIとPstI)を加えることにより、当該ベクターを2重消化させた。次いで消化されたDNA断片を精製した。

このようにして精製して得られた2種類のDNA断片を混合し、T4 DNAリガーゼでライゲーションした。得られたライゲーション液でE. coli HB101を形質転換した。

(3-2) 変異体のスクリーニング

(3-1)で得られた形質転換体からベクターを抽出した後、ダイデオキシ法により変異箇所の塩基配列を決定し、設計どおりの変異が導入されていることを



確認した。以上、(3-1)及び(3-2)の操作を54番目のロイシンの変異体17種、104番目のアルギニンの変異体、245番目のリジンの変異体及び271番目のアスパラギンの変異体について同様に行うことにより、それぞれの変異体プラスミド(本発明ベクター pL54Q、pL54G、pL54S、pL54T、pL54C、pL54Y、pL54N、pL54A、pL54V、pL54I、pL54M、pL54P、pL54K、pL54R、pL54H、pL54D、pL54E、pR104C、pN271D、pK245R)の形質転換体を取得した。

## 【0042】

## 実施例4 (多重変異型本発明遺伝子の作製)

## (4-1) 部位特異的変異導入操作

配列番号7、10、11で示される塩基配列を有するオリゴヌクレオチドと配列番号6で示される塩基配列を有するオリゴヌクレオチドとをプライマーに用いて前記(3-2)で精製されたベクター(pL54Q)を鋳型にして以下の反応液組成、反応条件でPCRを行った(ロシュ・ダイアグノスティック社製のExpand High Fidelity PCR Systemを使用)。得られたPCR反応液をPCR反応液(C)と記す。

また、配列番号28で示される塩基配列を有するオリゴヌクレオチドと配列番号29で示される塩基配列を有するオリゴヌクレオチドとをプライマーに用いて前記(3-2)で精製されたベクター(pL54Q)を鋳型にして以下の反応液組成、反応条件でPCRを行った(ロシュ・ダイアグノスティック社製のExpand High Fidelity PCR Systemを使用)。得られたPCR反応液をPCR反応液(D)と記す。

## 【0043】

## [反応液組成]

鋳型ベクター溶液	1 $\mu$ l
dNTP(各2.5mM-mix)	0.4 $\mu$ l
プライマー(20pmol/ $\mu$ l)	各0.75 $\mu$ l
10xbuffer(with MgCl)	5 $\mu$ l
enz.expandHiFi ( $3.5 \times 10^3$ U/ml)	0.375 $\mu$ l

超純水 41.725  $\mu$  l

【 0 0 4 4 】

[PCR反応条件]

上記組成に反応液が入った容器をPERKIN ELMER-GeneAmp PCR System2400にセットし、94℃ (0.5分間)-55℃ (2分間)-72℃ (1.5分間) のサイクルを 2 5 回行った後、4℃で保存した。

【 0 0 4 5 】

PCR反応液 (C) 及びPCR反応液 (D) をそれぞれ精製した後、2種類のPCR増幅DNA断片を混合し、熱変性させた。熱変性後、徐々に冷却し、アニーリングさせた。これにexpandHiFiを加えてヘテロ 2 本鎖を完成させて、さらに配列番号 2 8 で示される塩基配列を有するオリゴヌクレオチドと配列番号 6 で示される塩基配列を有するオリゴヌクレオチドをプライマーとして加えてPCRを以下の反応条件で行った。(ロシュ・ダイアグノスティック社製のExpand High Fidelity PCR Systemを使用)

【 0 0 4 6 】

[PCR反応条件]

上記組成に反応液が入った容器をPERKIN ELMER-GeneAmp PCR System2400にセットし、94℃ (0.5分間)-55℃ (2分間)-72℃ (1.5分間) のサイクルを 1 0 回行った後、4℃で保存した。

【 0 0 4 7 】

PCR反応液を精製した後、2種類の制限酵素 (NcoIとPstI) を加えることにより、当該PCR増幅断片を 2 重消化させた。次いで消化されたDNA断片を精製した。

一方、ベクターベクター p T r c 9 9 Aに2種類の制限酵素 (NcoIとPstI) を加えることにより、当該ベクターを 2 重消化させた。次いで消化されたDNA断片を精製した。

このようにして精製して得られた2種類のDNA断片を混合し、T 4 DNAリガーゼでライゲーションした。得られたライゲーション液でE. coli HB101を形質転換した。

## (4-2) 変異体のスクリーニング

(4-1) で得られた形質転換体からベクターを抽出した後、ダイデオキシ法により変異箇所の塩基配列を決定し、設計どおりの変異が導入されていることを確認した。以上、(4-1) 及び (4-2) の操作を 104 番目のアルギニンの変異体、245 番目のリジンの変異体及び 271 番目のアスパラギンの変異体について同様に行うことにより、多重変異型ベクター（多重変異型本発明ベクター pL54QR104C、pL54QK245R、pL54QN271D）の形質転換体を取得した。また、pL54QR104C、pL54QK245R を鋳型ベクターにして、(4-1) 及び (4-2) の操作を 271 番目のアスパラギンの変異体について同様に行うことにより、多重変異型ベクター（多重変異型本発明ベクター pL54QR104CN271D、pL54QK245RN271D）の形質転換体を取得した。また、pL54QK245RN271D を鋳型ベクターにして、(4-1) 及び (4-2) の操作を 104 番目のアルギニンの変異体について同様に行うことにより、多重変異型ベクター（多重変異型本発明ベクター pL54QR104CK245RN271D）の形質転換体を取得した。

## 【0048】

実施例 5 本発明遺伝子及び補酵素再生酵素の遺伝子を保有する形質転換体の調製

配列番号 2 で示される塩基配列（野生型還元酵素の遺伝子が有する塩基配列）を基にして配列番号 30 で示される塩基配列を有するオリゴヌクレオチド（B a m H I 含む）と配列番号 31 で示される塩基配列を有するオリゴヌクレオチド（P s t I 含む）とを合成した。

配列番号 30 で示される塩基配列を有するオリゴヌクレオチド（B a m H I 含む）と配列番号 31 で示される塩基配列を有するオリゴヌクレオチド（P s t I 含む）とをプライマーに用いて、前記 (1-2)、(3-2)、(4-2) で精製された野生型または変異型還元酵素遺伝子を含むベクター DNA を鋳型にして以下の反応液組成、反応条件で PCR を行った。（ロシュ・ダイアグノスティック社製の Expand High Fidelity PCR System を使用）

## 【0049】

[反応液組成]

ベクター液	1 $\mu$ l
dNTP(各2.5mM-mix)	0.4 $\mu$ l
プライマー(20pmol/ $\mu$ l)	各0.75 $\mu$ l
10xbuffer(with MgCl)	5 $\mu$ l
enz.expandHiFi ( $3.5 \times 10^3$ U/ml)	0.375 $\mu$ l
超純水	41.725 $\mu$ l

【 0 0 5 0 】

[PCR反応条件]

上記組成に反応液が入った容器をPERKIN ELMER-GeneAmp PCR System2400にセットし、97℃ (2分間) に加熱した後、97℃ (0.25分間)-55℃ (0.5分間)-72℃ (1.5分間) のサイクルを10回、次いで97℃ (0.25分間)-55℃ (0.5分間)-72℃ (2.5分間) のサイクルを20回、さらに72℃で7分間保持した。

【 0 0 5 1 】

PCR反応液を精製して得られたPCR増幅DNA断片に2種類の制限酵素 (B a m H I 及び X b a I) を加えることにより、当該DNA断片を2重消化させた。次いで得られたDNA断片を精製した。

一方、p T r c G D H 1 2 ベクターDNAを2種類の制限酵素 (B a m H I 及び X b a I) を加えることにより、当該ベクターを2重消化させた。次いで消化されたDNA断片を精製した。

このようにして精製して得られた2種類のDNA断片を混合し、T 4 DNAリガーゼでライゲーションした。得られたライゲーション液でE.coli DH5  $\alpha$  を形質転換した。得られた形質転換体からQIAprep Spin Miniprep Kit (Qiagen社製) を用いて野生型または変異型還元酵素遺伝子を含むベクター (以下、ベクター p T r c G R P c、p T r c G R L 5 4 Q、p T r c G R L 5 4 G、p T r c G R L 5 4 S、p T r c G L 5 4 T、p T r c G R L 5 4 C、p T r c G R L 5 4 Y、p T r c G R L 5 4 N、p T r c G R L 5 4 A、p T r c G R L 5 4 V、p T r c G R L 5 4 I、p T r c G R L 5 4 M、p T r c G R L 5 4 P、p T r c G R L 5 4 K、p T r c G R L 5 4 R、p T r c G R L 5 4 H、p T r c G R L 5 4 D、p T r c G R L 5 4 E、p T r c G R R 1 0 4 C、p T r c G N 2 7 1 D、p T r c G R K 2 4 5 R、p T r c G R L 5 4 Q R 1 0 4 C、p T r c G R L 5 4 Q K 2 4 5 R、p T r c G

RL54QN271D、p T r c G RL54QR104CN271D、p T r c G RL54QK245RN271D、p T r c G RL54QR104CK245RN271D、と記すこともある。)を取り出した。

【 0 0 5 2 】

実施例 6 (本発明還元酵素の光学選択性)

実施例 3 又は実施例 4 で得られた形質転換体を 0. 1 mM の IPTG 及び 50  $\mu$ g / ml のアンピシリンを含有する滅菌 LB 培地 (100 ml) に接種し、これを 30℃ で 12 時間振盪培養した。培養後、得られた培養液を遠心分離 (8000  $\times$  g、10 分) することにより、沈殿として菌体を回収した。約 0. 4 g の湿菌体を得た。

4-ブロモ-3-オキシ酪酸メチル 50 mg、前記の湿菌体 20 mg、NAD P<sup>+</sup> 2. 4 mg、グルコース 100 mg、グルコース脱水素酵素 (天野製薬製) 0. 5 mg、100 mM リン酸緩衝液 (pH 6. 5) 2 ml 及び酢酸ブチル 2 ml を混合した。当該混合物を 30℃ で 20 分間攪拌した後、反応液を遠心分離 (10000  $\times$  g、5 分) することにより、有機層を回収した。当該有機層を下記条件でガスクロマトグラフィーによる光学純度分析に供試した。

【 0 0 5 3 】

(光学純度測定条件)

カラム: G-TA (0. 25 mm  $\times$  30 m、0. 125  $\mu$  m) (アステック社製)

カラム温度: 110℃ (20 分)  $\rightarrow$  5℃ / 分  $\rightarrow$  180℃ (1 分)

キャリアーガス: ヘリウム (流量: 1 ml / 分)

検出器: FID

スプリット比: 1 / 50

尚、反応生成物の絶対立体配置は (S) - 4-ブロモ-3-ヒドロキシ酪酸メチルの標品と比較することにより決定した。

【 0 0 5 4 】

光学純度分析の結果を表 1 及び表 2 に示す。

【表 1】

本発明還元酵素	光学選択性 (%e.e.)
L 5 4 Q	9 8 . 7
R 1 0 4 C	9 7 . 7
L 5 4 Q R 1 0 4 C	9 9 . 0
N 2 7 1 D	9 6 . 8
L 5 4 Q N 2 7 1 D	9 8 . 6
L 5 4 Q R 1 0 4 C N 2 7 1 D	9 8 . 8
K 2 4 5 R	9 7 . 0
L 5 4 Q K 2 4 5 R	9 8 . 6
L 5 4 Q K 2 4 5 R N 2 7 1 D	9 8 . 3
L 5 4 Q R 1 0 4 C K 2 4 5 R N 2 7 1 D	9 8 . 7
野生型 (比較対照)	9 7 . 1

【表 2】

本発明還元酵素	光学選択性 (%e.e.)
L 5 4 Q	9 8 . 7
L 5 4 G	9 8 . 3
L 5 4 S	9 8 . 8
L 5 4 T	9 7 . 7
L 5 4 C	9 7 . 5
L 5 4 Y	9 8 . 4
L 5 4 N	9 8 . 3
L 5 4 A	9 8 . 7
L 5 4 V	9 8 . 8
L 5 4 I	9 8 . 6
L 5 4 M	9 8 . 2
L 5 4 P	9 7 . 4
L 5 4 K	9 8 . 1
L 5 4 R	9 8 . 6
L 5 4 H	9 7 . 4
L 5 4 D	9 8 . 4
L 5 4 E	9 8 . 9
野生型 (比較対照)	9 7 . 1

【0 0 5 5】

ここで、表 1 及び 2 中の例えば「L 5 4 Q」とは、5 4 番目のロイシン (L) がグルタミン (Q) に置換されてなる本発明還元酵素を表し、また例えば「L 5 4 Q R 1 0 4 C」とは、5 4 番目のロイシン (L) がグルタミン (Q) に、1 0 4 番目のアルギニン (R) がシステイン (C) に、置換されてなる本発明還元酵素を表している。

【0 0 5 6】

## 実施例 7 (本発明形質転換体の調製及び還元反応 (その 1))

ベクター pL54Q を用いて *E. coli* HB101 を形質転換した。得られた形質転換体を 0.1 mM の IPTG 及び 50  $\mu$ g/ml のアンピシリンを含有する滅菌 LB 培地 (100 ml) に接種し、これを 30℃ で 12 時間振盪培養した。培養後、得られた培養液を遠心分離 (8000  $\times$  g、10 分) することにより、沈殿として菌体を回収した。約 0.4 g の湿菌体を得た。

4-ブロモ-3-オキシ酪酸メチル 300 mg、前記の湿菌体 0.4 g、NADP<sup>+</sup> 9 mg、グルコース 750 mg、グルコース脱水素酵素 (天野製薬製) 1.2 mg、100 mM リン酸緩衝液 (pH 6.5) 15 ml 及び酢酸ブチル 15 ml を混合した。当該混合物を 30℃ で 7 時間攪拌した。尚、攪拌中は反応液の pH が 6.5  $\pm$  0.2 となるように 2 M 炭酸ナトリウム水溶液を徐々に加えた。攪拌終了後、反応液を遠心分離 (1000  $\times$  g、5 分) することにより、有機層を回収した。当該有機層を下記条件でガスクロマトグラフィーによる含量分析に供試した。反応に用いた 4-ブロモ-3-オキシ酪酸メチルの量に対して 4-ブロモ-3-ヒドロキシ酪酸メチルは 98.5% 生成していた。また下記条件で当該有機層中の 4-ブロモ-3-ヒドロキシ酪酸メチルの光学純度を測定したところ、(S) 体が 99% e. e. であった。さらに当該有機層を濃縮することにより、粗 (S)-4-ブロモ-3-ヒドロキシ酪酸メチルを得る。

## 【0057】

(含量分析条件)

カラム: HR-20M (0.53 mm  $\times$  30 m、1  $\mu$  m) (信和化工社製)

カラム温度: 120℃ (5 分)  $\rightarrow$  3℃/分  $\rightarrow$  150℃ (5 分)  $\rightarrow$  10℃/分  $\rightarrow$  200℃ (5 分)

キャリアーガス: ヘリウム (流量: 20 ml/分)

検出器: FID

## 【0058】

(光学純度測定条件)

カラム: G-TA (0.25 mm  $\times$  30 m、0.125  $\mu$  m) (アステック社製)

カラム温度: 110℃ (20 分)  $\rightarrow$  5℃/分  $\rightarrow$  180℃ (1 分)



キャリアーガス：ヘリウム（流量：1 ml / 分）

検出器：F I D

スプリット比：1 / 5 0

尚、反応生成物の絶対立体配置は（S）-4-ブロモ-3-ヒドロキシ酪酸メチルの標品と比較することにより決定した。

【 0 0 5 9 】

実施例 8 （本発明形質転換体の調製及び還元反応（その 2））

ベクター p T r c G R L 5 4 Q を用いて E. coli HB101 を形質転換した。得られた形質転換体を 0. 1 mM の I P T G 及び 5 0  $\mu$  g / m l のアンピシリンを含有する滅菌 LB 培地（1 0 0 m l）に接種し、これを 3 0 °C で 1 2 時間振盪培養した。約 0. 4 g の湿菌体を得た。

4-ブロモ-3-オキソ酪酸メチル 3 0 0 m g、前記の湿菌体 0. 4 g、N A D P <sup>+</sup> 9 m g、グルコース 7 5 0 m g、1 0 0 mM リン酸緩衝液（p H 6. 5）1 5 m l 及び酢酸ブチル 1 5 m l を混合した。当該混合物を 3 0 °C で 7 時間攪拌した。尚、攪拌中は反応液の p H が 6. 5  $\pm$  0. 2 となるように 2 M 炭酸ナトリウム水溶液を徐々に加えた。攪拌終了後、反応液を遠心分離（1 0 0 0  $\times$  g、5 分）することにより、有機層を回収した。当該有機層を下記条件でガスクロマトグラフィーによる含量分析に供試した。反応に用いた 4-ブロモ-3-オキソ酪酸メチルの量に対して 4-ブロモ-3-ヒドロキシ酪酸メチルは 9 8. 5 % 生成していた。また前記条件で上記の有機層中の 4-ブロモ-3-ヒドロキシ酪酸メチルの光学純度を測定した結果、（S）体が 9 9 % e. e. であった。さらに当該有機層を濃縮することにより、粗（S）-4-ブロモ-3-ヒドロキシ酪酸メチルを得る。

【 0 0 6 0 】

（含量分析条件）

カラム：H R - 2 0 M （0. 5 3 m m  $\times$  3 0 m、1  $\mu$  m）（信和化工社製）

カラム温度：1 2 0 °C （5 分） $\rightarrow$  3 °C / 分  $\rightarrow$  1 5 0 °C （5 分） $\rightarrow$  1 0 °C / 分  $\rightarrow$  2 0 0 °C （5 分）

キャリアーガス：ヘリウム（流量：2 0 m l / 分）

検出器：F I D

【 0 0 6 1 】

(光学純度測定条件)

カラム：G-TA (0. 2 5 m m × 3 0 m、0. 1 2 5 μ m) (アステック社製)

カラム温度：1 1 0 ° C ( 2 0 分) → 5 ° C / 分 → 1 8 0 ° C ( 1 分)

キャリアーガス：ヘリウム (流量：1 m l / 分)

検出器：F I D

スプリット比：1 / 5 0

尚、反応生成物の絶対立体配置は ( S ) - 4 - ブロモ - 3 - ヒドロキシ酪酸メチルの標品と比較することにより決定した。

【 0 0 6 2 】

実施例 9 (形質転換体による本発明還元酵素の生産)

実施例 3 又は実施例 4 で得られた 2 6 種類の形質転換体を 0. 1 m M の I P T G 及び 1 0 0 μ g / m l のアンピシリンを含有する L B 培地 ( 5 0 m L ) に接種し、これを 3 0 ° C で 1 2 時間振盪培養した。培養後、得られた培養液を遠心分離 ( 8 0 0 0 × g 、 1 0 分 ) することにより、沈殿として菌体を回収した。その一部 ( 培養液 5 μ l 相当 ) を S D S - P A G E に供したところ、2 6 種すべてのサンプルにおいて、野生型還元酵素の分子量に相当する位置に蛋白質が主バンドとして認められた。

【 0 0 6 3 】

実施例 1 0 (本発明還元酵素の精製)

実施例 9 に記載された方法で培養を行った形質転換体 2 6 種類を各々超音波破碎 ( 2 0 K H z 、 1 5 分、 4 ° C ) した後、遠心分離 ( 1 0 0 0 0 0 × g 、 6 0 分、 4 ° C ) を行い、その上清を得る。得られる超遠心上清 1 5 0 m l に硫酸アンモニウムをその濃度が 1. 5 M になるまで徐々に加える。これを疎水性相互作用クロマトグラフィーカラム [ Hi - Load Phenyl ( 26 / 10 ) ( アマシャムファルマシアバイオテック社製 ) ] [ 1. 5 M 硫酸アンモニウムを含む B I S - T R I S - P R O P A N E バッファー ( 2 0 m M 、 p H 7. 0 ) で平衡化したもの ] に展着し、硫酸アンモニウムを溶解した B I S - T R I S - P R O P A N E バッファー ( 硫酸

アンモニウム濃度 1.5 M → 0.6 M の濃度勾配) を移動層として目的酵素を溶出する。溶出面分の酵素活性の測定は還元酵素の基質である 4-ハロ-3-オキシ酪酸エステルを用いて行う。

具体的には、溶出面分を含む 0.1 ml の溶出液に、4-ブロモ-3-オキシ酪酸メチル (1.56 mg/ml) 及び NADPH (0.226 mg/ml) を溶解したリン酸緩衝液 (20 mM, pH 7.0) 0.9 ml 30℃ で保温し、340 nm の吸光度の増加を測定する。還元酵素活性のある画分を集め、当該画分を脱塩し、Tris-HCl 緩衝液 (20 mM, pH 7.7) に置換する。これをイオン交換クロマトグラフィーカラム [Hi-Load Q Sepharose (16/10) (アマシャムファルマシアバイオテク社製)] [Tris-HCl 緩衝液 (20 mM, pH 7.7) で平衡化したもの] に展着し、塩化ナトリウムを溶解した Tris-HCl 緩衝液 (塩化ナトリウム濃度 0 → 0.5 M の濃度勾配) を移動層として目的酵素を溶出させる。還元酵素活性のある画分を集め、精製還元酵素を得る。

【0064】

【発明の効果】

本発明により、医薬品の有効成分となる化合物やその中間体、特に光学活性である化合物やその中間体等を製造する為の有機合成反応に利用され得る還元酵素であって、光学純度が高い反応生成物を製造することに優れた還元酵素が提供可能となる。

【配列表フリーテキスト】

配列番号 3

PCR のために設計されたオリゴヌクレオチドプライマー

配列番号 4

PCR のために設計されたオリゴヌクレオチドプライマー

配列番号 5

PCR のために設計されたオリゴヌクレオチドプライマー

配列番号 6

PCR のために設計されたオリゴヌクレオチドプライマー

配列番号 7

PCRのために設計されたオリゴヌクレオチドプライマー  
配列番号 8

PCRのために設計されたオリゴヌクレオチドプライマー  
配列番号 9

PCRのために設計されたオリゴヌクレオチドプライマー  
配列番号 1 0

PCRのために設計されたオリゴヌクレオチドプライマー  
配列番号 1 1

PCRのために設計されたオリゴヌクレオチドプライマー  
配列番号 1 2

PCRのために設計されたオリゴヌクレオチドプライマー  
配列番号 1 3

PCRのために設計されたオリゴヌクレオチドプライマー  
配列番号 1 4

PCRのために設計されたオリゴヌクレオチドプライマー  
配列番号 1 5

PCRのために設計されたオリゴヌクレオチドプライマー  
配列番号 1 6

PCRのために設計されたオリゴヌクレオチドプライマー  
配列番号 1 7

PCRのために設計されたオリゴヌクレオチドプライマー  
配列番号 1 8

PCRのために設計されたオリゴヌクレオチドプライマー  
配列番号 1 9

PCRのために設計されたオリゴヌクレオチドプライマー  
配列番号 2 0

PCRのために設計されたオリゴヌクレオチドプライマー  
配列番号 2 1

PCRのために設計されたオリゴヌクレオチドプライマー

配列番号 2 2

P C R のために設計されたオリゴヌクレオチドプライマー

配列番号 2 3

P C R のために設計されたオリゴヌクレオチドプライマー

配列番号 2 4

P C R のために設計されたオリゴヌクレオチドプライマー

配列番号 2 5

P C R のために設計されたオリゴヌクレオチドプライマー

配列番号 2 6

P C R のために設計されたオリゴヌクレオチドプライマー

配列番号 2 7

P C R のために設計されたオリゴヌクレオチドプライマー

配列番号 2 8

P C R のために設計されたオリゴヌクレオチドプライマー

配列番号 2 9

P C R のために設計されたオリゴヌクレオチドプライマー

配列番号 3 0

P C R のために設計されたオリゴヌクレオチドプライマー

配列番号 3 1

P C R のために設計されたオリゴヌクレオチドプライマー

【配列表】

<110> SUMITOMO CHEMICAL COMPANY, LIMITED

<120> A modified reductase, its gene and use thereof

<130> 154587

<160> 31

<210> 1

<211> 325

<212> PRT

<213> *Penicillium citrinum*

<400> 1

Met Ser Asn Gly Lys Thr Phe Thr Leu Ser Asn Gly Val Lys Ile Pro 16  
1 5 10 15

Gly Val Gly Phe Gly Thr Phe Ala Ser Glu Gly Ser Lys Gly Glu Thr 32  
20 25 30

Tyr Thr Ala Val Thr Thr Ala Leu Lys Thr Gly Tyr Arg His Leu Asp 48  
35 40 45

Cys Ala Trp Tyr Tyr Leu Asn Glu Gly Glu Val Gly Glu Gly Ile Arg 64  
50 55 60

Asp Phe Leu Lys Glu Asn Pro Ser Val Lys Arg Glu Asp Ile Phe Val 80  
65 70 75 80

Cys Thr Lys Val Trp Asn His Leu His Arg Tyr Glu Asp Val Leu Trp 96  
85 90 95

Ser Ile Asp Asp Ser Leu Lys Arg Leu Gly Leu Asp Tyr Val Asp Met 112  
100 105 110

Phe Leu Val His Trp Pro Ile Ala Ala Glu Lys Asn Gly Gln Gly Glu 128  
115 120 125

Pro Lys Ile Gly Pro Asp Gly Lys Tyr Val Ile Leu Lys Asp Leu Thr 144  
130 135 140

Glu Asn Pro Glu Pro Thr Trp Arg Ala Met Glu Lys Ile Tyr Glu Asp 160  
145 150 155 160

Arg Lys Ala Arg Ser Ile Gly Val Ser Asn Trp Thr Ile Ala Asp Leu 176  
165 170 175

Glu Lys Met Ser Lys Phe Ala Lys Val Met Pro His Ala Asn Gln Ile 192  
180 185 190

Glu Ile His Pro Phe Leu Pro Asn Glu Glu Leu Val Gln Tyr Cys Phe 208  
195 200 205

Ser Lys Asn Ile Met Pro Val Ala Tyr Ser Pro Leu Gly Ser Gln Asn 224  
210 215 220

Gln Val Pro Thr Thr Gly Glu Arg Val Ser Glu Asn Lys Thr Leu Asn 240  
225 230 235 240

Glu Ile Ala Glu Lys Gly Gly Asn Thr Leu Ala Gln Val Leu Ile Ala 256  
245 250 255

Trp Gly Leu Arg Arg Gly Tyr Val Val Leu Pro Lys Ser Ser Asn Pro 272  
260 265 270

Lys Arg Ile Glu Ser Asn Phe Lys Ser Ile Glu Leu Ser Asp Ala Asp 288  
275 280 285

Phe Glu Ala Ile Asn Ala Val Ala Lys Gly Arg His Phe Arg Phe Val 304

290

295

300

Asn Met Lys Asp Thr Phe Gly Tyr Asp Val Trp Pro Glu Glu Thr Ala 320

305

310

315

320

Lys Asn Leu Ser Ala

325

325

<210> 2

<211> 978

<212> DNA

<213> *Penicillium citrinum*

<220>

<221> CDS

<222> (1)..(978)

<400> 2

atg tct aac gga aag act ttc aca ttg agc aac ggc gtc aag att cct 48

Met Ser Asn Gly Lys Thr Phe Thr Leu Ser Asn Gly Val Lys Ile Pro

1

5

10

15

ggc gtc ggc ttt ggt acc ttc gct agt gaa ggt tcc aag ggc gag acc 96

Gly Val Gly Phe Gly Thr Phe Ala Ser Glu Gly Ser Lys Gly Glu Thr

20

25

30

tat act gct gtc acc act gcc ctg aag acc ggt tac cgt cac ttg gac 144

Tyr Thr Ala Val Thr Thr Ala Leu Lys Thr Gly Tyr Arg His Leu Asp

35

40

45



tgt gcc tgg tac tac ctg aac gag ggt gag gtt ggt gag ggt atc cgt 192

Cys Ala Trp Tyr Tyr Leu Asn Glu Gly Glu Val Gly Glu Gly Ile Arg

50

55

60

gac ttc ctg aag gag aac ccc tcg gtg aag cgt gag gac atc ttc gtc 240

Asp Phe Leu Lys Glu Asn Pro Ser Val Lys Arg Glu Asp Ile Phe Val

65

70

75

80

tgc acc aag gtg tgg aac cac ctc cac cgt tat gag gac gtc ctc tgg 288

Cys Thr Lys Val Trp Asn His Leu His Arg Tyr Glu Asp Val Leu Trp

85

90

95

tcc att gac gac tcc ctg aag cgt ctt gga ctt gac tac gtt gat atg 336

Ser Ile Asp Asp Ser Leu Lys Arg Leu Gly Leu Asp Tyr Val Asp Met

100

105

110

ttc ctc gtt cac tgg ccc att gct gcc gag aag aat ggc cag ggt gag 384

Phe Leu Val His Trp Pro Ile Ala Ala Glu Lys Asn Gly Gln Gly Glu

115

120

125

ccc aag att ggc cct gac ggc aaa tac gtc att ctc aag gac ctg acc 432

Pro Lys Ile Gly Pro Asp Gly Lys Tyr Val Ile Leu Lys Asp Leu Thr

130

135

140

gag aac ccc gag ccc aca tgg cgc gct atg gag aag att tat gag gat 480

Glu Asn Pro Glu Pro Thr Trp Arg Ala Met Glu Lys Ile Tyr Glu Asp

145

150

155

160

cgc aag gcc agg tcc att ggt gtc tcc aac tgg acc att gcc gac ctt 528

Arg Lys Ala Arg Ser Ile Gly Val Ser Asn Trp Thr Ile Ala Asp Leu

165

170

175

gag aag atg tcc aag ttc gcc aag gtc atg cct cac gcc aac cag atc 576

Glu Lys Met Ser Lys Phe Ala Lys Val Met Pro His Ala Asn Gln Ile

180

185

190

gag att cac ccc ttc ctg ccc aac gag gag ctg gtg cag tac tgc ttc 624

Glu Ile His Pro Phe Leu Pro Asn Glu Glu Leu Val Gln Tyr Cys Phe

195

200

205

tcc aag aac att atg ccc gtg gcc tac tct cct ctg ggc tcg cag aac 672

Ser Lys Asn Ile Met Pro Val Ala Tyr Ser Pro Leu Gly Ser Gln Asn

210

215

220

cag gtt ccc acc acc ggt gag cgg gtc agc gag aac aag act ctg aac 720

Gln Val Pro Thr Thr Gly Glu Arg Val Ser Glu Asn Lys Thr Leu Asn

225

230

235

240

gag atc gcc gag aag ggc ggc aac acc ctt gct cag gtt ctt att gcc 768

Glu Ile Ala Glu Lys Gly Gly Asn Thr Leu Ala Gln Val Leu Ile Ala

245

250

255

tgg ggt ctg cgc cgt ggc tac gtc gtt ctc ccc aag agc tcc aac ccc 816

Trp Gly Leu Arg Arg Gly Tyr Val Val Leu Pro Lys Ser Ser Asn Pro

260

265

270

aag cgc att gag tcc aac ttc aag agc att gag ctc tcc gat gcc gac 864

Lys Arg Ile Glu Ser Asn Phe Lys Ser Ile Glu Leu Ser Asp Ala Asp

275

280

285

ttt gaa gcc atc aat gcc gtt gcc aag ggt cgt cac ttc cgt ttc gtc 912

Phe Glu Ala Ile Asn Ala Val Ala Lys Gly Arg His Phe Arg Phe Val

290

295

300

aac atg aag gat act ttc gga tat gat gtc tgg ccc gag gag acc gcc 960

Asn Met Lys Asp Thr Phe Gly Tyr Asp Val Trp Pro Glu Glu Thr Ala

305

310

315

320

aag aac ctg tct gcg tga

978

Lys Asn Leu Ser Ala

325

<210> 3

<211> 27

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide primer for PCR

<400> 3

gccatggcta tgtctaacgg aaagact

27

<210> 4

<211> 29

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide primer for PCR

<400> 4

cggatccggtt cacgcagaca gggtcttgg 29

<210> 5

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide primer for PCR

<400> 5

tggtactacc agaacgaggg t 21

<210> 6

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide primer for PCR

<400> 6

ggctgaaaat cttctctcat 20

<210> 7

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide primer for PCR

<400> 7

gactccctga agtgtcttgg a

21

<210> 8

<211> 27

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide primer for PCR

<400> 8

gccatggcta tgtataaaga tttagaa

27

<210> 9

<211> 23

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide primer for PCR

<400> 9

cggatccggtt atccgcgtcc tgc

23

<210> 10

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide primer for PCR

<400> 10

gagaggggcg gcaacaccct t

21

<210> 11

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide primer for PCR

<400> 11

tccgacccca agcgcattga g

21

<210> 12

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide primer for PCR

<400> 12

tggtactacg gcaacgaggg t 21

<210> 13

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide primer for PCR

<400> 13

tggtactaca gcaacgaggg t 21

<210> 14

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide primer for PCR

<400> 14

tggtactaca ccaacgaggg t

21

<210> 15

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide primer for PCR

<400> 15

tggtactact gcaacgaggg t

21

<210> 16

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide primer for PCR

<400> 16

tggtactact ataacgaggg t

21

<210> 17

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence



<220>

<223> Designed oligonucleotide primer for PCR

<400> 17

tggtactaca acaacgaggg t 21

<210> 18

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide primer for PCR

<400> 18

tggtactacg cgaacgaggg t 21

<210> 19

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide primer for PCR

<400> 19

tggtactacg tgaacgaggg t 21

<210> 20

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide primer for PCR

<400> 20

tggtactaca ttaacgaggg t 21

<210> 21

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide primer for PCR

<400> 21

tggtactaca tgaacgaggg t 21

<210> 22

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide primer for PCR

<400> 22

tggtactacc cgaacgaggg t

21

<210> 23

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide primer for PCR

<400> 23

tggtactaca aaaacgaggg t

21

<210> 24

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide primer for PCR

<400> 24

tggtactacc gcaacgaggg t

cg21

<210> 25

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide primer for PCR

<400> 25

tggtactacc ataacgaggg t 21

<210> 26

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide primer for PCR

<400> 26

tggtactacg ataacgaggg t 21

<210> 27

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide primer for PCR

<400> 27

tggtactacg aaaacgaggg t 21

<210> 28

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide primer for PCR

<400> 28

tgttgacaat taatcatccg 20

<210> 29

<211> 24

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide primer for PCR

<400> 29

aagcttgcat gccttcgggt cgac 24

<210> 30

<211> 24

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide primer for PCR

<400> 30

cggatccgag gaaacagacc atgg

24

<210> 31

<211> 29

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide primer for PCR

<400> 31

ctctagagtt ataatttcgt agagattca

29

【書類名】 要約書

【要約】

【課題】

反応時間の短縮および反応効率の向上を図るうえで熱安定性に優れた還元酵素等を提供すること。

【解決手段】

配列番号 1 で示されるアミノ酸配列における 5 4 番目及び 1 0 4 番目のアミノ酸のうち少なくとも 1 個が他のアミノ酸に置換されていること以外には配列番号 1 で示されるアミノ酸配列と同等なアミノ酸配列を有し、かつ、基質を還元する能力を有することを特徴とする酵素等、当該酵素が有するアミノ酸配列をコードする塩基配列を有することを特徴とするポリヌクレオチド、当該ポリヌクレオチドを含有することを特徴とするベクター、当該ポリヌクレオチド又は当該ベクターを保有することを特徴とする形質転換体等が提供可能になった。

【選択図】 なし

出 願 人 履 歴 情 報

識別番号 [000002093]

1. 変更年月日 1990年 8月28日  
[変更理由] 新規登録  
住 所 大阪府大阪市中央区北浜4丁目5番33号  
氏 名 住友化学工業株式会社